

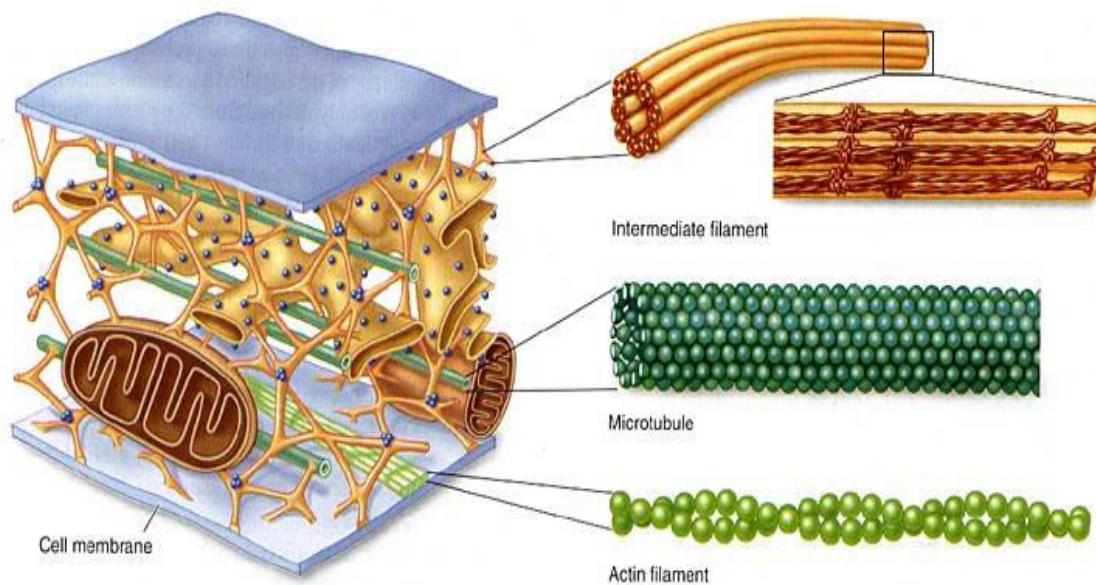
Modeliranje intermikrotubularne dinamike računalnim stokastičkim metodama

Bruno Buljan

mentor: dr. sc. Matko Glunčić

Citoskelet

- Aktinska vlakna, intermedijarni filamenti , mikrotubuli
- Statička i dinamička uloga

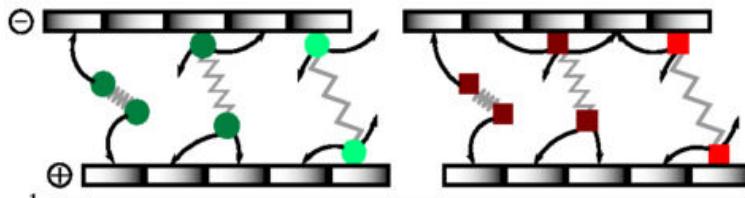


Mikrotubuli

- Polimeri tubulina
- Plus i minus kraj
- Uloga u diobenom vretenu
- MAP i MAPK proteini
- Parcijalna interdigitacija mikrotubula

Model mikrotubula

- Par antiparalelno usmjerenih mikrotubula u citoplazmi koji se povezuju sa aktivnim i pasivnim linkerima
- Aktivni i pasivni linker su proteini koji se na oba svoja kraja neovisno mogu vezivati na mikrotubul
- Vezivna mjesta kao array tip podataka u C-u
- Proteini kao opruge koje djeluju silom na mikrotubule u viskoznom mediju
- .



Statističko zadavanje problema

- Nekoliko se procesa može dogoditi pasivnom ili aktivnom linkeru.
- Svaki proces je modeliran frekvencijom događanja u slobodnim uvjetima

Tabela 1 Prikaz mogućih događaja i njihova parametrizacija. (ap - active linker protein, pp - passive linker protein, sb -single binded, db - double binded)

<i>dogadaj</i>	<i>frekvencija događja</i>	<i>komentar</i>
<i>occupation</i>		
- ap	ω_o^a	
- pp	ω_o^p	
<i>deattachment</i>		
- sb, ap	ω_d^a	k_a i k_p su Hookeove konstante za aktivne i pasivne proteine.
- sb, pp	ω_d^p	ξ je elongacija linkera .
- db, ap	$\omega_d^a \exp(k_a \xi / f_a)$	f_a i f_p su karakteristične veličine za silu.
- db, pp	$\omega_d^p \exp(k_p \xi / f_p)$	
<i>crosslinking</i>		
- ap	$\frac{\omega_c^a}{\sqrt{2\sigma^2\pi}} \exp\left(-\frac{\xi^2}{2\sigma^2}\right)$	σ je karakteristična vrijednost rasapa pozicije vezujućeg kraja u odnosu na vezni kraj linkera.
- pp	$\frac{\omega_c^p}{\sqrt{2\sigma^2\pi}} \exp\left(-\frac{\xi^2}{2\sigma^2}\right)$	
<i>hopping</i>		
- sb, ap	γ	\pm označava dvije vrijednosti frekventnosti događanja ovisno o tome da li pasivni linker događajem smanjuje ili povećava napetost proteina. Favorizirana je relaksacija.
- sb, pp	D	
- db, ap	$\gamma \exp(k_a \xi / f_a)$	
- db, pp	$D \exp(\pm k_p \xi / f_p)$	

SSA: algoritam fiksnog vremenskog koraka

- dt je fiksan tijekom simulacije
- U pojedinom koraku vjerojatnost da se dogodi proces je : ω_{dt}
- U većini koraka se ne dogodi ništa
- Plus: vrlo jednostavan algoritam
- Minus: dt mora biti dovoljno malen da su sve vjerojatnosti <1 i da se u procesu razmatranja uvijek odlučimo za jedan ishod.

SSA: Gillespijev algoritam

- Ide se od događaja do događaja
- Nakon određivanja vremena kad će se dogoditi događaj, bira se koji.
- Plus: algoritam je “egzaktan”
- Minus: nekad ima jako puno događaja i liste dostupnih događaja se mogu mjenjati ovisno o stanju sistema

Gillespijev algoritam

$P = P(\text{nije se dogodio niti jedan događaj}) * P(\text{dogodio se događaj } j \text{ u } dt \text{ trenu kad } t = \tau)$

$P = P(\text{nije se dogodio niti jedan događaj}) * \omega_j dt$

$$P(\tau, j) = \lim_{M \rightarrow \infty} \left(1 - \frac{\sum \omega_j \tau}{M} \right)^M (\omega_j dt) = \exp \left(- \sum \omega_i \tau \right) \omega_j dt \quad \tau = \frac{1}{\sum \omega_j} \ln \frac{1}{r_1}$$

$$W(t_1, t_2) = \int_{t_1}^{t_2} \exp(-t \sum \omega_j) dt = -\frac{1}{\sum \omega_j} [\exp(-t_2 \sum \omega_j) - \exp(-t_1 \sum \omega_j)]$$

$$W(t_1, t_2) = -\frac{1}{\sum \omega_j} (P(t_2) - P(t_1))$$

- τ – vrijeme do slijedećeg događaja u seriji
- ω – frekvencije svih mogućih događaja
- r – slučajni broj iz intervala $[0,1]$

Dijagram toka

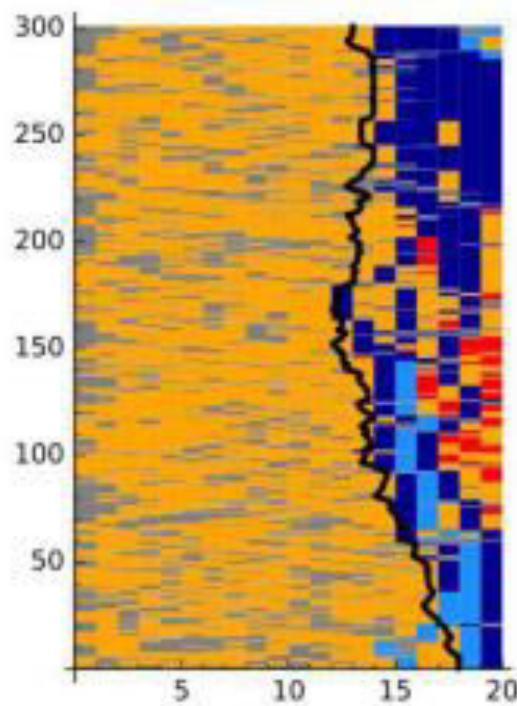
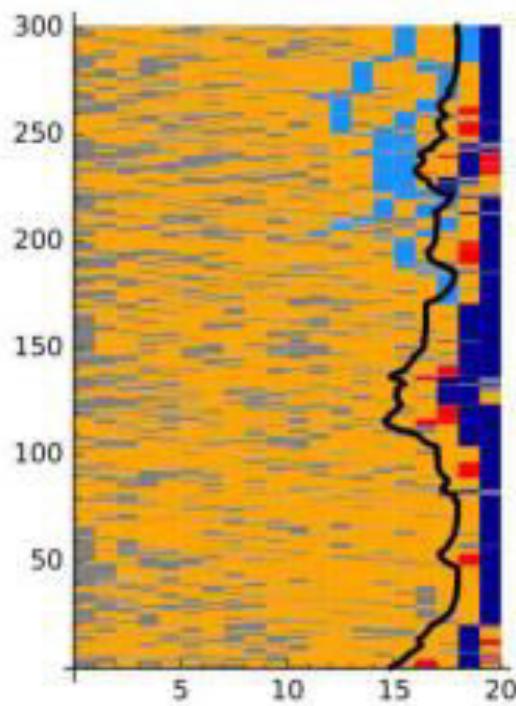
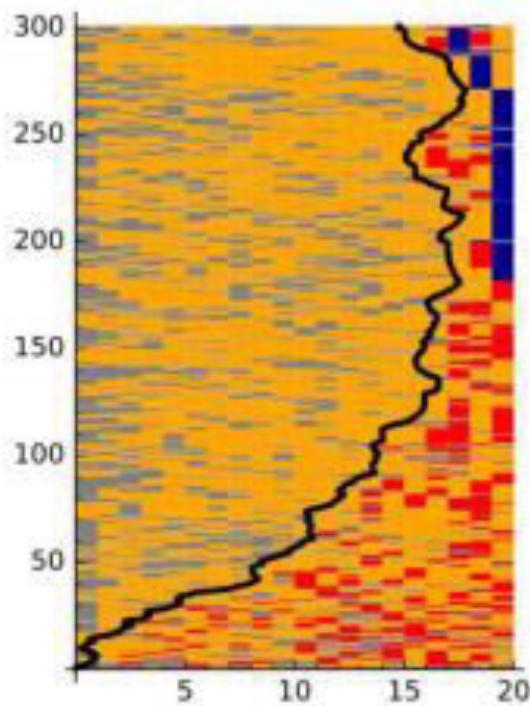
1. Inicijalizacija para mikrotubula (dva prazna antiparalelna mikrotubula posmagnuti za 0nm)
2. Prolaz po svim mjestima mikrotubula
 - a. Razmatranje koji se dogadjaji mogu dogoditi sa zadanim mjestom
 - b. Slučajni odabir događaja sukladno njegovoj vjerojatnosti
 - c. Unošenje promjene u strukturu (implementaciju mikrotubula)
 - d. Prelazak na sljedeće vezivno mjesto
3. Izračun sile na pojednini mikrotubuli i njegova pomaka pomoću Hookova zakona
4. Ispis stanja mikrotubula u tekstualnu datoteku
5. Ukoliko nije prošao predviđen broj iteracija, povratak na 2. točku, ukoliko je izlaz iz petlje ispis glavnih podataka na konzolu programa.

Parametri

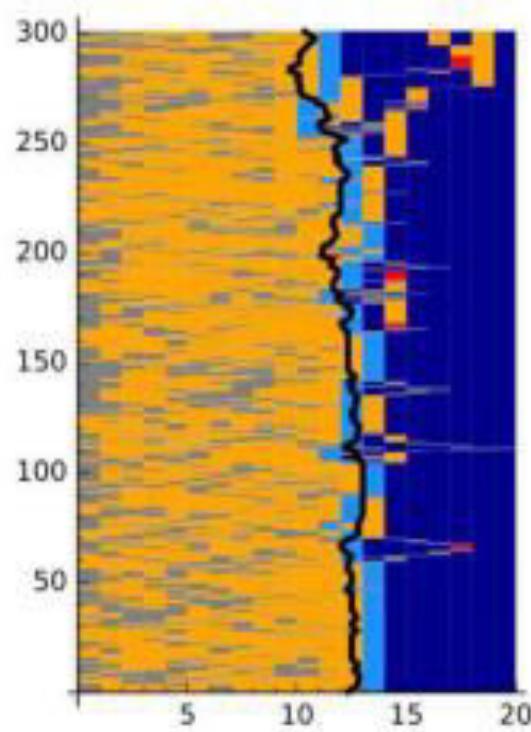
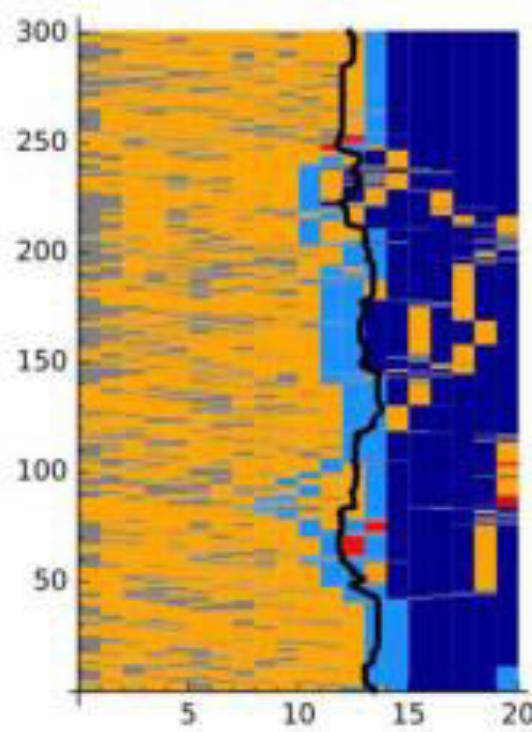
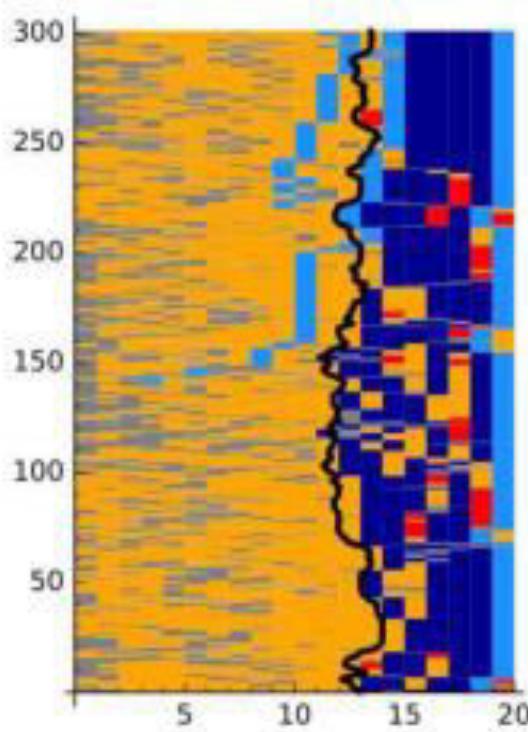
Tabela 2 Prikaz numeričkih vrijednosti parametara korišten u simulaciji

ω_o^a	0.316 Hz	k_a^*	0.11 pN/nm	μ	0.1 pNs/nm
ω_o^a	0.0004 Hz	k_p^*	0.11 pN/nm	γdt	0.001
ω_d^a	1.56 Hz	f_a^*	9 pN	$N_{veznih mesta}$	20
ω_d^p	0.0017 Hz	f_p^*	9 pN	$N_{iteracija}$	300 000
γ	12 Hz	σ	8 nm		
D	12 Hz	l	8 nm		

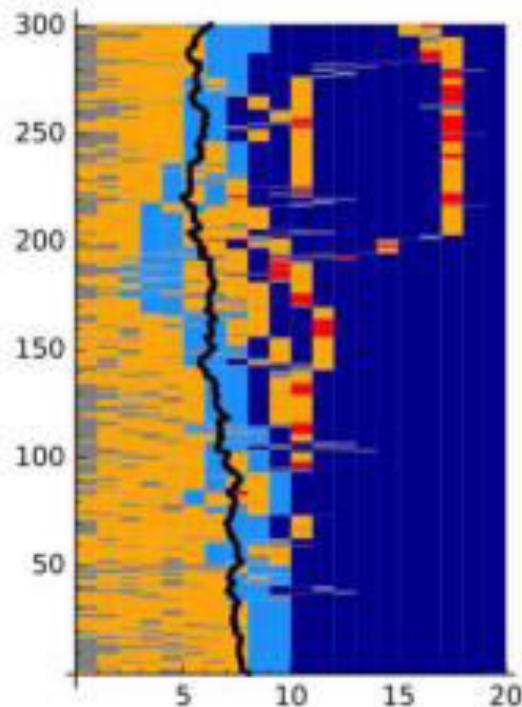
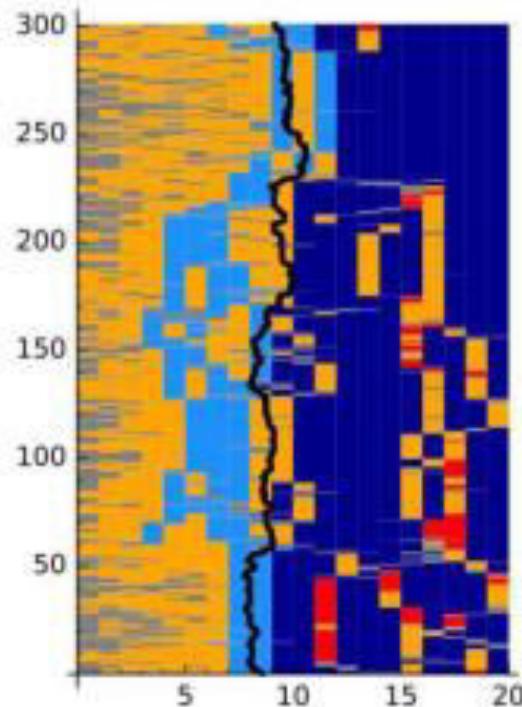
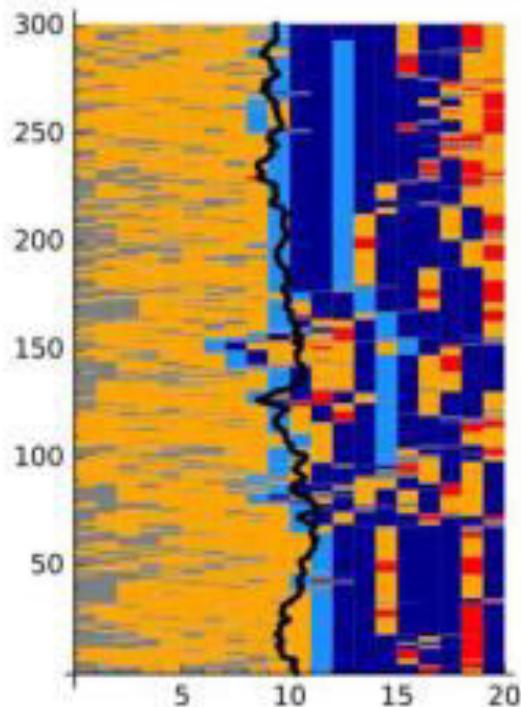
Rezultati



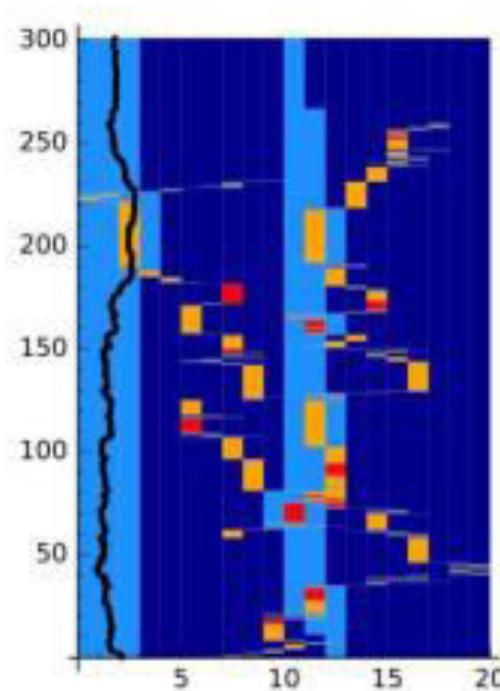
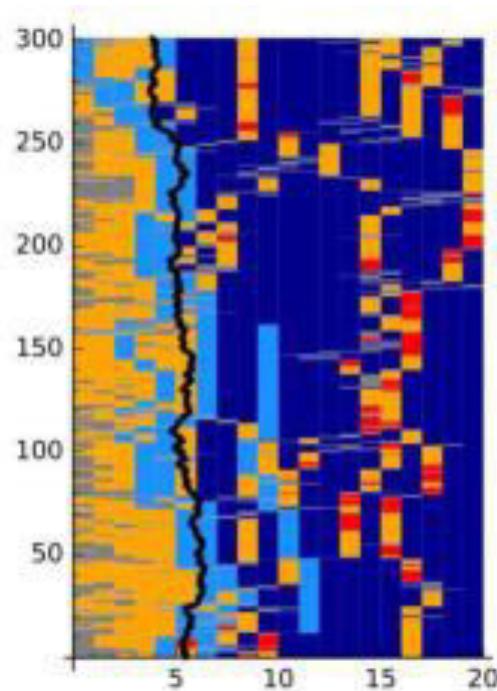
Rezultati



Rezultati

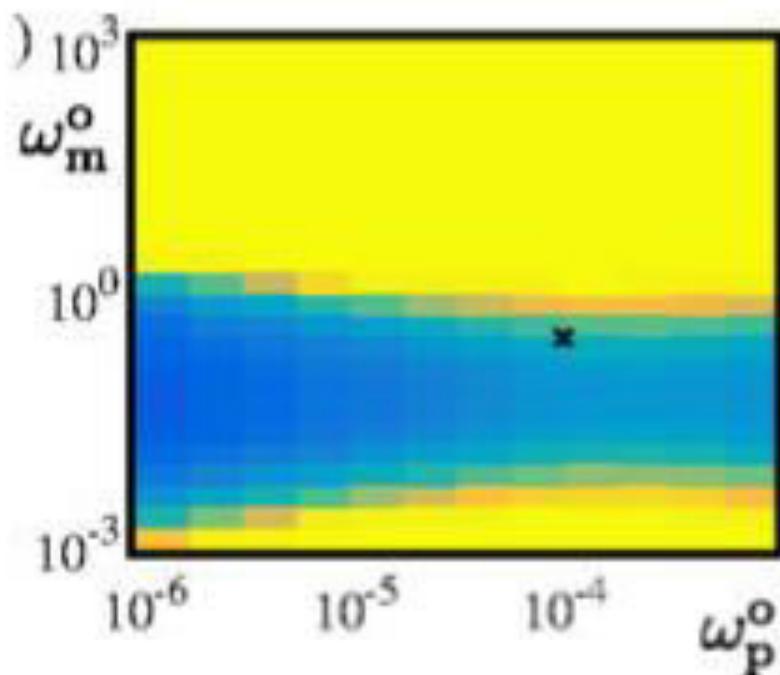


Rezultati



Proširenje problema

- [8] Johann et al. : fazni dijagram u prostoru slobodnih parametara



Zaključak

- Sustav posjeduje dvije vremenske skale
 - kratku – vezanu za aktivne linkere
 - dugačku – vezanu za pasivne linkere
- To je prvenstveno uvjetovano zadanim parametrima sustava

Literatura

- [1] Stanica, molekularni pristup, treće izdanje; G.M. Cooper, R.E. Hausman; Medicinska naklada, Zagreb (2004)
- [2] Harperova ilustrirana biokemija, dvadesetosmo izdanje; R.K. Murray et al.; Medicinska naklada, Zagreb (2011)
- [3] Particle-based Stochastic Simulation in Systems Biology; D.P. Tolle, N. La Novere; Current Bioinformatics ,1, 000-000 (2006)
- [4] A Practical Guide to Stochastic Simulations of Reaction-Diffusion processes; R. Erban, S.J. Chapman, P.K. Maini; arxiv.org (2007)
- [5] A Practical Guide to Computer Simulations; A.K. Hartmann, E. Rieger; arxiv.org (2008)
- [6] Stochastic Simulation in Systems Biology; T. Sezekly Jr., K. Burrage; Computational and Structural Biotechnology Journal, 12, 14-25 (2014)
- [7] Exact Stochastic Simulations of Intracellular Transport by Mechanically Coupled Molecular Motors; J.A. Helmuth, S. Reboux, I.F. Sbalzarini; Journal of Computational Science2, 324-334 (2011)
- [8] Generation of Stable Overlaps between Antiparallel Filaments; D. Johann, D. Goswami, K. Kruse; Physical Review Letters, 115, 118103 (2015)